#### **DEDICATION**

#### I dedicate this work

I would be very grateful if anybody can help me in writing the dedication of my thesis, I would like to dedicate it to my Mother and my Father but my Mother is dead so how can I say it ... Who offers me the inspiration of success and keenness throughout my life...

## To my lovely family..... My wife and my Daughters...

Who always encourage me with passion and endless support. I am so Lucky to have a woman Love me so much and stand beside me the way you have!

## To my faithful brothers and sisters...

Who have always helped me and believed that I could do it...

## To My Supervisor Prof. Hussain Gad Elkarim Ahmed...

Who spare nothing towards my success ...

#### ACKNOWLEDGEMENTS

#### "I am obliged to all those patients who were a part of this dissertation"

Initial thanks go to "THE GOD" for giving me an opportunity to do my post graduation. Certainly, this is my long awaited opportunity to express my gratitude towards all you wonderful people who have, in one way or another, supported me in my work with this thesis. In particular I would like to express my sincere gratitude to the following people: First of all I would like to express my highly grateful to my supervisor Prof. Hussain Gad Elkarim Ahmed for allowing me to do research work under their guidance, patience, support and inspiration, collaboration and friendship in research over several years. He introduced me to the world of research and sharing his immense knowledge in the field, for the enormous amount of work, time, energy and support. He has put in along with his heavy and administrative responsibilities and for his resolve and inspiring attitude that most things can be solved. I was impressed by your never ending energy and blessed by your keenness towards your students.

This dissertation would not have been possible without the guidance and the help of Dr. Mohammed Siddig A. A.ziz, my Co-supervisor and the dean of the College of medical laboratory sciences for his untiring effort in encouraging the teaching staff to pursue professional growth.

I would like to extend special thanks to Dr. Mohamed AL-Khatim Alsammani, for providing me the moral support and encouragement throughout the work period.

I would like to express my very great appreciation to my colleagues in the department of histopathology-Faculty of Medical laboratory sciences Sudan University of Sciences and Technology, Dr. Hassan Siddig, Dr. Abu Alqasim Abbass, Dr. Muneera, Dr. Tariq and Mr. Sharafaddeen. Your enlightening suggestions, helping and encouragements made me feel I was not isolated in my research.

I am particularly grateful for the assistance given by; Dr. Saad Alnoor Abusail, Dr. Arshad Rahmani, Dr. Ahmed Omer Almobarak, Dr. Mohamed Omer Yousif, Dr. Mohamed Omer Jamea, Dr. Mohamed Issa, Dr. Mohamed Ahmed, Dr. Magzoob Abbass, MR. Faris Mirghani, Mrs. Nada Salih and Mrs. Sarah Salih.

My sincere thanks also goes to Dr. Mohamed Alzuhairy, The Vice dean of the College of applied medical sciences Qassim University - Kingdom of Saudi Arabia, for providing space and facilities for carrying out the bench work in the research Lab.

I would like to thank the following hospitals for their assistance with the collection of my data: North Khartoum hospital, Omdurman Hospital, Military Hospital and Police Hospital.

I also take this opportunity to thank my family, specially my wife and my beloved children Raneem and Ragad. Of course, my deepest thanks to my friend outside work; and to all of you that I did not mentioning particular.

# **List of Contents**

	Title	Page
1	Dedication	I
2	Acknowledgement	II
3	List of contents	IV
4	List of tables	VII
5	List of figures	VIII
6	List of abbreviation	IX
7	Abstract	X
8	Arabic abstract	XII
9	Chapter one:	1
10	Introduction	1
11	1.1- Rationale	4
12	1.2- Research objectives	5
13	1.2.1. General objectives	5
14	1.2.2. Specific objective	5
15	Chapter Two: Review of literature	6
16	2-1. Scientific background	6
17	2.1.3- Infections and inflammatory changes	6
18	2.1.3.1- Bacterial Infections	6
19	2.1.3.2- Fungal Diseases:	10
20	2.1.3.3- Viral Diseases	11
21	2.2.5- Benign Neoplastic Oral Lesion	13
22	2.3- Oral Cancer	16
23	2.3.1- Epidemiology of oral cancer	18
24	2.3.2- Etiology of oral cancer	22
25	2.3.2.1- Tobacco	22
26	2.3.2.2 – Alcohol	24
27	2.3.2.3 – Age	25
28	2.3.2.4- Diet	26
29	2.3.2.5- Human papilloma virus associated cancers	27
30	Molecular structure and role of high and low risk HPV in OSCCs	28
31	High and Low-Risk Type HPV Infections	29
32	2.3.3- Pathogenesis of oral cancer	31
33	2.3.3.1- Molecular pathogenesis of OSCCs	32
34	2.3.4- Diagnosis of oral cancer	33
35	Biopsy	35
36	Cytological methods	36
37	Cytomorphometry	37
38	Chemiluminescence	38
39	Tissue fluorescence imaging	38
40	2.3.5- Conventional Histopathology (benign & malignant)	39

41	2.3.5- Immunohistochemical (IHC) method	40
42	2.3.5.1- p16INK4a	41
43	2.3.5.2- Cytokeratin-19	43
44	2.3.6- Molecular pathology:	45
45	2.3.6.1- Polymerase chain reaction (PCR)	45
46	2.3.6.2- Insitu hybridization	46
47	Computed Tomography (CT)	46
48	Magnetic Resonance Imaging (MRI)	47
49	Management and Treatment	47
50	Prevention	48
51	Prognosis and survival	48
52	Chapter Three: Materials and Methods	49
53	3.1. Study design	49
54	3.2. Materials	49
55	3.3. Study population	49
56	3.4. Samples size	49
57	3.5. Ethical consideration	50
58	3.6. Sample processing Methodology	50
59	3.6.1. Haematoxylin and Eosin	50
60	3.6.2. Immunohischemistry: ((ChemMateTM EnVision, + / HRP))	51
61	3.6.3- DNA extraction	53
62	3.6.3. Polymerase chain reaction (Genotyping of HPV)	53
63	3.6.3.1- Amplification of HPV	53
64	3.6.3.2- Gel-electrophoresis	54
65	3.6.3.3- Interpretation of PCR results	54
66	3.7. Statistical analysis	54
67	Chapter Four: Results	55
68	Chapter Five: Discussion	74
69	Conclusion and Recommendations	84
70	Conclusion	84
71	Recommendations	85
72	Chapter Six: References	86

# **List of Tables:**

Tables.	Title	Page
No.		
Table.1.	PCR Program used for amplification of HPV genes	59
Table.2.	Sequences of type-specific PCR primers used in this study.	60
Table.3.	Distribution of the study population by site of lesion and gender.	61
Table.4.	Distribution of the study subjects by histopathology and gender	62
Table.5.	Distribution of age, gender, site and types of oral lesion by HPV genotyping.	63
Table.6.	Correlation between p16 <sup>ink4a</sup> and genotyping of HPV.	64
Table.7.	Distribution of the site of lesions by p16 <sup>ink4a</sup> .	65

# **List of Figures:**

Figures No.	Title	Page
Fig.1.	PCR amplification of high risk Oral lesions samples.	66
Fig.2.	Description of the study population by age.	67
Fig.3.	Distribution of the study population by oral lesions and gender.	68
Fig.4.	Correlation between by p16ink4a and CytoKeratin 19.	69
Fig.5.	Detection rate of cancer types by p16 ink4a.	70
Fig.6.	Distribution of the study population by Gender and p16ink4a.	71
Fig.7.	Upper Jaw, Well Differentiated Squamaus Cell Carcinoma 10x P16 immunohistochemical staining: Positive	72
Fig.8.	Cheek, Well Differentiated Squamaus Cell Carcinoma 10x CK19 immunohistochemical staining: positive.	73

#### **List of Abbreviations**

ABs Antibodies bp Base pair

CK19 Cytokeratin 19

CA Cytoplasmic Area

CD Cytoplasmic diameter

CI Confidence interval

CM Centimeter

CT Computed Tomography

CMV Cytomegalovirus

DAB Diaminobenzidine

DW Distilled water

DPX Disterne Plasticizer Xylene

DNA Deoxyribonucleic acid

EBV Epstein- barr virus

FFPW Formalin- fixed, paraffin- wax

FNA Fine needle aspiration

FNAB Fine needle aspiration biopsy

FISH Fluorescence in situ hybridization

HC II Hybrid capture II

HR-HPV High Risk-Human Papillomaviruses

HIV Human immunodeficiency virus

HNSCC Head and Neck squamous cell carcinoma

HPV Human Papillomaviruses

HSV Herpes Simplex virus

IARC International agency for research on cancer

IHC Immunohistochemical

ISH In Situ hybridization

LR-HPV Low Risk-Human Papillomaviruses

μL Micro-Liter

mL Mili-Liter

MRI Magnetic Resonance Imaging

mRNA Massenger ribonucleic acid

NA Nuclear Area

NA/CA Nucleus-to-cytoplasm area ratio

NCR Non-coding region

OCs Oral cancers

OPLs Oral premalignant lesions

OPSCCs Oropharyngeal squamous cell carcinomas

OR Odds Ratio

ORFS Open- reading frame sequence

OSCCs Oral squamous Cell Carcinomas

PBS Phosphate Buffer Saline

PCR Polymerase Chain Reaction

RT-PCR Real time-polymerase chain reaction

SGT Salivary gland tumor

SPSS Statistic Package for Social Sciences

TSN Toombak use Tobacco Specific Nitrose amine

WHO World Health Organization

VC Verrucous carcinoma

VZV Varicella zoster viru

#### **Abstract**

#### **Background**

High Risk human papillomaviruses (HR-HPV), subtypes are strongly linked to etiology of many human cancers including oral cancer. The epidemiology of infection with different HPV genotypes greatly varies in different countries. In Sudan, there are considerable numbers of oral cancers, most of them are attributed to the use of Tobacco (toombak) use and alcohol consumption is the main risk factors for oral cancers (OCs). Other risk factor includes the viral infection, particularly with Human papilloma virus (HPV).

#### Aim

The aim of this study was to identify and genotype the HR-HPV subtypes in oral tissues obtained from Khartoum State with oral lesions.

#### Material and methods

This is a prospective analytical case control study conducted at Khartoum State during the period from June 2010 to December 2013. Two hundred tissue blocks were retrieved from different histopathology laboratories in Khartoum State. Of the 200 formalin fixed paraffin wax processed tissue blocks, 100 were obtained from patients diagnosed with oral cancer and 100 samples were obtained from patients diagnosed with non-neoplastic lesions. Infection with HPV was initially determined using p16<sup>INK4A</sup> as a biomarker immunohistochemistry (IHC) method, and then genotyping was subsequently assessed applying polymerase chain reaction (PCR). Tumor DNA was amplified using PCR with HR-HPV consensus and multiplex primers. Cytokeratin 19 (CK19) antibodies was used to study the expression pattern in normal mucosa, dysplasias, and oral squamous cell carcinomas (OSCC), using IHC.

#### Results

HPV genomic materials using A6 and A7 primers were detected in 12/200 (6%) of oral lesions. Of these, 6/12 (50%) HPV-16, 4/12 (34%) HPV-18, 1/12 (8%) HPV-31, and 1/12(8%) HPV-33. Out of the 12 HPV; 8/12(66.7%) HPV were found in malignant lesions, whereas, 4/12(33.3%) HPV were found in benign lesions. Consequently, the risk associated with HPV infection was found to be statistically significant (P<0.001).

The age group 40-49 years was the most susceptible to HPV infection. According to relation between HPV and lesion sites, the most affected sites were buccal mucosa and oropharynx, particularly, SCCs, hence, most of benign lesions were seen in the salivary glands. The detected HR-HPV were type 16, 18, 31 and 33. The total number of cases detected by the PCR HPV genotyping were 12 cases, out of these 11(91.7%), were detected by p16, Statistically, P16 was significantly associated with HPV the (P<0.005).

#### Conclusion

In conclusion, the findings of this study provide strong association between HPV and OCs, amongst Sudanese patients. HPV particularly subtypes 16 and 18 play a role in the etiology of oral cancer in the Sudan. On the other hand, in this study P16INK4A immunostaining was used to screen tissue samples obtained from patients with oral lesions to indicate the presence of HPV infection. But the exact role of CK19 in the genesis of HPV requires further assessment.

#### 

### 0000000:

ان فيروس الورم الحليمي البشري للسلالات الخطرة ، وهو السبب الرئيسي للعديد من السرطانات البشرية بما في ذلك سرطان الفم. انتشار وبائيات عدوى فيروس الورم الحليمي البشري يختلف اختلافا كبيرا في مختلف بلدان العالم حسب الأنماط الجينية. وفي السودان هنالك أعداد كبيرة من سرطانات الفم، وتنسب معظمها إلى استخدام التبغ (التمباك) وشرب الكحول وهي عوامل المسببة لسرطانات الفم. وتشمل عوامل خطر فيروسية أخرى، لا سيما فيروس الورم الحليمي البشري

### 

هدفت هذه الدراسه الي كشف فيروس الـورم الحليمـي البشـري للسـلالات الخطـرة بين المرضى المترددين باّفات الفم في ولاية الخرطوم.

### 

الكشف عن هذا الفيروس باستخدام طريقتين هما تقنياتا الكشف المناعي النسيجي الكيميائي و طريقة الاحياء الجزيئيه. أجريت هذه الدراسة في ولاية الخرطوم خلال الفترة من يونيو 2010 إلى ديسمبر 2013. حيث تم اخذ 200 عينه نسيجيه من معامل الأنسجة المريضة المختلفة في ولاية الخرطوم، وقد تم الحصول على 100 عينة من المرضى الذين شخصت حالاتهم على انها سرطان الفم و 100 عينة من المرضى الذين شخصت حالاتهم بغير سرطانية. تم الكشف عن فيروس الورم الحليمي البشري مبدئيا بطريقة كيمياء الانسجه المناعيه و ذلك باستخدام جسم مضاد خاص البشري مبدئيا بطريقة شمع البرافين من (p16 الفيروس يعرف بال انسجه سرطانات الفم ثم لاحقا تم تحديد انواع هذا الفيروس بالكشف عن الحمض النووى الخاص بهذه الانواع باستخدام بادئه خاصه البولمريز. ثم تم تضخيم الحمض النووي الخاص بهذه الانواع باستخدام بادئه خاصه النواع ذات خطوره عاليه من هذا الفيروس باستخدام طريقة تفاعل سلاسلات انزيم البولمريز. كذلك تم الكشف عن انواع معينه من واسمات السرطان مثل سرطانات اللاج (CK19) الفم للخلايا الحرشفية باستخدام الكشف المناعي النسيجي الكيميائي للأج (CK19) الفم للخلايا الحرشفية باستخدام الكشف المناعي النسيجي الكيميائي للأج (CK19) الفم للخلايا الحرشفية باستخدام الكشف المناعي النسيجي الكيميائي للأج (CK19) الفم للخلايا الحرشفية باستخدام الكشف المناعي النسيجي الكيميائي للأج (DK19) الفم للخلايا الحرشفية باستخدام الكشف المناعي النسيجي الكيميائي للأج (DK19) الفم المضادة ايضا لدراسة نمط التغبير في الغشاء المخاطي

## <u>:النتائج</u>

تم الكشف عن فيروس الورم الحليمي البشري الجيني باستخدام طريقة الاحياء الجزيئيه عن الحمض النووى الخاص بهذه الانواع و ذلك عن طريق استخدام تفاعل سلاسلات انزيم البولمريز ، حيث تم تحديد 12/200 (6%) من الآفات الفموية، مقسمة على النواع الفرعية كالآتي 6/12 من فيروس الورم الحليمي البشري رقم 1/1 (50%)، من 1/12 من فيروس الورم الحليمي البشري رقم 18 (3%)، من 1/12 من فيروس الورم الحليمي البشري رقم 13 (8%) واخيرا 1/12 من فيروس الورم الحليمي البشري رقم 33 (8%). وايضا اظهرت النتائج على ان 1/12 (66.7) من فيروس الورم الحليمي البشري في الآفات الخبيثة ، في حين تم العثور على 4/12 (

33.3 ٪) من فيروس الورم الحليمي البشري في آفات الغير سرطانية لتكون ذات (P<0.005).

كانت الفئة العمرية 40-40 سنة الأكثر عرضة للإصابة بفيروس الورم الحليمي البشري و مواقع الآفات ، حيث البشري . وفقا للعلاقة بين فيروس الـورم الحليمي البشـري و مواقع الآفات ، حيث كانت المواقع الأكثر تضررا تجاويف الفم و البلعوم و معظـم الآفات الغيـر سـرطانية في الغدد اللعابية. كان إجمالي عدد الحالات المكتشفة للحمض النـووى الخـاص بهـذه الانـواع و ذلك عـن طريـق اسـتخدام تفاعـل سلاسـلات انزيـم البـولمريز. حيث كـان فيروس الورم الحليمي البشري 12 حالة ، من هذه 12 من هذه 11 منها كانت موجبة مـن الكشـف (p16<sup>INK4A</sup>) باسـتخدام جسـم مضـاد خـاص لهـذا الفيـروس يعـرف بـال

#### 0000000:

تعطي نتائج هذه الدراسه دليل مقنع بوجود إرتباط قوي بين فيروس الـورم الحليمي البشـري و سـرطانات الفـم فـي المرضى السـودانيين بـالاخص تلـك الـتي تنشأ فـي منطقة تجويف الفم, البلعوم و المـرئ. وان فيـروس الـورم الحليمـي البشـري خاصـة أنواعه فرعية 16 و 18 تلعب دورا كبيرا في حدوث سرطانات الفم في السودان. من المناعيـة لفحـص عينـات الأنسـجة P16 ناحية أخرى ، في هذه الدراسة تم استخدام مناعيا كيميائيا حيث يمكن استخدام هـذا المضاد المناعي كمؤشـر لوجـود فيـروس الـورم الحليمـي البشـري مـن المرضـى الـذين يعانون مـن آفـات الفـم. ولكـن الـدور في نشأة فيروس الـورم الحليمـي البشـري يحتـاج إلـى مزيـد مـن CK19 الدقيق لل الدراسات الخراسات الـورم الحراسات الـورم الحراسات الـورم الـورم الحليمـي البشـري يحتـاج الـى مزيـد مـن الـورم الـورم الـورم الحراسات الـورم الـورم الحليمـي البشـري يحتـاج الـى مزيـد مـن CK19 الـورم الـوراسات